

10 20 30 40 50 60  
 LYC3 MLLALVCLLSCLLPSSSEAKLYGRCELARVLHDFGLDGYRGYSLADWWVCLAYFTSGFNAAA  
 : . . : : . . . . : : : : : : : : : : : : : : : :  
 gi|1790947 MRALIILGLVLLSVTVQGGKIFERCELARTLKKLGLDGYKGVSLANWVCLAKWESGYNTEA  
 10 20 30 40 50 60

70 80 90 100 110  
 LYC3 LDYE-ADGSTNNGIFQINSRRWCSN-LTPNVPNVCRMYSDDLNPNLKDTVICAMKITQE  
 . . . : : : : : : : : : : : . . . . : : : : : : : : : :  
 gi|1790947 TNYNPGDESTDYGIFQINSRYWCNNGKTPGAVDACHISCSALLQNNIADAVACAKRVVSD  
 70 80 90 100 110 120

120 130 140  
 LYC3 PQGLGYWEAWRHHHCQGKDLTEWVDGPDF  
 :  
 gi|1790947 PQGIRAWVAWRNHCQNKDVSQYVKGCGV  
 130 140

## Fig. 1A

10 20 30 40 50  
 LYC3 MLLALVCLLSCLLP-SSEAKLYGRCELARVLHDFGLDGYRGYSLADWWVCLAYFTSGFNAA  
 : . . : : : . . : : : : : : . . . : : : : : : : : : : : : :  
 sp|00702 MRSLLILVL-CFLPLAAPGKVYGRCELAAAMKRMGLDNYRGYSLGNWVCAAKFESNFNTG  
 10 20 30 40 50

60 70 80 90 100 110  
 LYC3 ALDYEADGSTNNGIFQINSRRWCSN-LTPNVPNVCRMYSDDLNPNLKDTVICAMKITQE  
 : . . :  
 sp|00702 ATNRNTDGSTDYGILQINSRWWCNDGRTPGSKNLCHIPCSALLSSDITASVNC AKKIVSD  
 60 70 80 90 100 110

120 130 140  
 LYC3 PQGLGYWEAWRHHHCQGKDLTEWVDGPDF  
 . . . : : : : : : : . . : : :  
 sp|00702 GNGMNAWVAWRKHCKGTDVNVWIRGCRL  
 120 130 140

## Fig. 1B

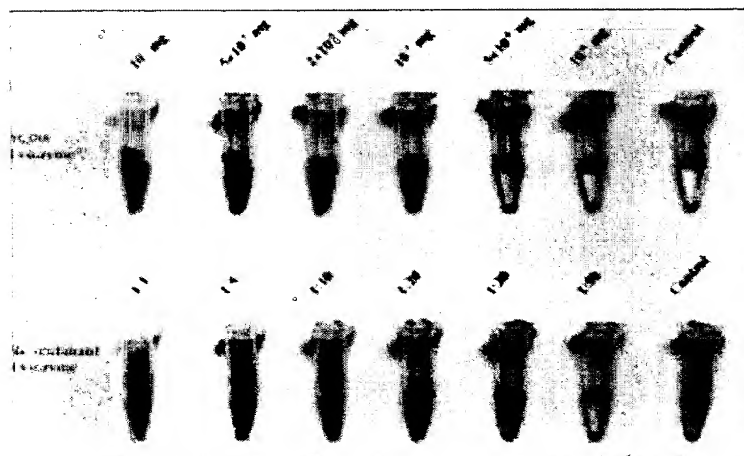


Fig. 2